

---

## Genetiske årsaker til hørselstap - status og perspektiver

---

ARTIKKEL

TRANEBJÆRG L

---

### Sammendrag

Alvorlig hørselshemning, definert som  $\geq 40$  dB hørselstap, er det hyppigste sansetap. Det forekommer hos ett av 750 barn og hos 4-36% av voksne, avhengig av aldersgruppe. Arvelige faktorer er involvert i minst 50% av tilfellene. Betegnelsen syndromisk hørselstap anvendes, i motsetning til isolert hørselstap, når det er assosierte tilleggssanomalier. Ingen spesiell konfigurasjon av audiogrammet kan anvendes til å predikere om et hørselstap er arvelig. I 1994 var kun tre kromosomale loci for hørselstap kjent. I mars 1999 er antall loci for isolert hørselstap av forskjellige arvelige typer økt til minst 53. Forskning i døvhet har bekreftet felles trekk i utviklingsbiologien hos f.eks. bananflue, mus og menneske og har ført til en mer presis klinisk-genetisk diagnostikk. En bestemt mutasjon i Cx26-genet er så hyppig at undersøkelse av dette genet nå kan inngå i etiologisk utredning også ved sporadiske tilfeller av medfødt døvhet. Nye audiologiske screeningmetoder (otoakustisk emisjon, OAE) kan, sammen med genetiske undersøkelsesmuligheter, nå anvendes for tidligere og mer presis diagnostikk av hørselstap, og være et grunnlag for forbedret audiologisk rehabilitering og ev. behandling i form av cochleaimplantat. Døvhetssyndromene omfatter symptomer fra alle organsystemer, og diagnostikk og behandling må derfor være en tverrfaglig oppgave.

---

Publisert: 20. mai 1999. Tidsskr Nor Legeforen.

© Tidsskrift for Den norske legeforening 2026. Lastet ned fra tidsskriftet.no 12. juli 2026.